

**Programme conférence IA & Santé (29 juin – 1 juillet 2022)**

**Mercredi 29 juin 2022**

8h30-9h30	Accueil & inscriptions	
9h30-10h00	Ouverture de la conférence	
10h00-11h00	<b>Conférence plénière 1 : Grégory Nuel</b> (LPSM-CNRS 8001, Sorbonne Université) <i>Inferring causality from a mixture of observations and interventions</i>	
11h00-11h30	Pause-café	
	<b>Session contributive 1</b>	<b>Session contributive 2</b>
11h30-11h50	<b>Antoine Bichat</b> <i>Analysis of Cancer Dependency Maps</i>	<b>Pierre Drouin</b> <i>Classification semi-supervisée de séries temporelles de quaternions pour l'analyse des troubles de la marche dans la sclérose en plaques</i>
11h50-12h10	<b>Zeno Loi</b> <i>Topological machine learning approach for linkage exploration in transcriptomes</i>	<b>Eloïse Inacio</b> <i>A coarse-to-fine needle extraction algorithm for the modelisation of electric field in electroporation ablation</i>
12h10-12h30	<b>Bastien Chassagnol</b> <i>Robust deconvolution of transcriptomic samples using the gene covariance structure</i>	<b>Hava Chaptoukaev</b> <i>Assessing Multiple Imputation of Missing Values for Robust Analysis of Telehealth Kiosk Data</i>
12h30-14h30	Pause déjeuner – session Posters	
14h30-15h30	<b>Conférence plénière 2 : Basile Chaix</b> (iPLesp Sorbonne Université) <i>Environment, mobility and health: investigations based on big data from wearable sensors and smartphones</i>	
15h30-16h00	Pause-café	
	<b>Session invitée 1 : Intégration des données multi-sources</b>	
16h00-16h30	<b>Anne-Sophie Jannot</b> (University of Paris Cité and Georges Pompidou European Hospital) <i>A préciser</i>	
16h30-17h00	<b>Eric Letouzé</b> (CRCI2NA, Inserm UMR 1307, Nantes Université) <i>Multi-omics data integration in cancer research</i>	
17h00-17h30	<b>Erwan Drezen</b> (entreprise CUBR) <i>Better data for a better science: the challenge of linking health databases</i>	
18h00	Cocktail hall MSH	

**Jeudi 30 juin 2022**

8h30-9h00	Accueil & inscriptions	
9h00-10h00	<b>Conférence plénière 3 : Rodolphe Thiébaud</b> (INRIA - INSERM – CHU de Bordeaux - Université de Bordeaux - ISPED) <i>Analyzing transcriptomics data for understanding and predicting vaccine response in clinical trials</i>	
10h00-10h30	Pause café	
	<b>Session invitée 2 : Neurosciences et Analyse d'images</b>	
10h30-11h00	<b>Alexandre Gramfort</b> (Inria, CEA, Université Paris-Saclay) <i>Machine learning without human supervision on neuroscience data</i>	
11h00-11h30	<b>Florence Forbes</b> (Inria, Université Grenoble Alpes, équipe Statify, Laboratoire LJK) <i>Simulation based inference for high dimensional inverse problems: application to magnetic resonance fingerprinting</i>	
11h30-12h00	<b>Christophe Ziemmer</b> (Computational Biology Department, Institut Pasteur, Paris) <i>Deep learning for biomedical imaging</i>	
12h00-14h00	Pause déjeuner – session Posters	
14h00-15h00	<b>Conférence plénière 4 : Stéphanie Allasonnière</b> (Université Paris Descartes & Ecole Polytechnique) <i>Data Augmentation in High Dimensional Low Sample Size Setting Using a Geometry-Based Variational Autoencoder</i>	
15h00-15h30	Pause café	
	<b>Session contributive 3</b>	<b>Session contributive 4</b>
15h30-15h50	<b>Antony Devaux</b> <i>Random survival forests for competing causes with multivariate longitudinal endogenous covariates</i>	<b>Cheïma Boudjeniba</b> <i>Identification of consensus whole blood transcriptomic gene modules in patients with primary Sjögren's Syndrome</i>
15h50-16h10	<b>Audrey Lavenu</b> <i>Comparaisons de méthodes pour données de survie en grande dimension sur de petits échantillons</i>	<b>Vincent Dandenault</b> <i>Application des réseaux bayésiens aux données multi-omiques pour l'amélioration du diagnostic de l'asthme chez les enfants d'âge préscolaire</i>
16h10-16h30	<b>Simon de Montigny</b> <i>Conceptual framework based on artificial intelligence to facilitate the integration of infectious disease modeling into public health practice</i>	<b>Marie Deprez</b> <i>Decoding Genetic Markers of Multiple Phenotypic Traits Through Biologically Constrained Genome-To-Phenome Bayesian Sparse Regression</i>
16h30-16h50	<b>Marie-Félicia Beclin</b> <i>Construction de modèles intelligents dans les données d'imagerie scanner de patients traités par benralizumab</i>	<b>Olivia Rousseau</b> <i>The Avatar method: computation of synthetic data and application in health</i>
16h50-17h10	<b>Chira Cordier</b> <i>Reductive Discriminating Network: a new dimension reduction algorithm in context of binary classification</i>	<b>Hugo Boisauvert</b> <i>Simulation of Virtual Patient at The Operating Room</i>

**Vendredi 1 juillet 2022**

8h30-9h00	Accueil & inscriptions
9h00-10h00	<b>Conférence plénière 5 : Raphaëlle Momal</b> (entreprise Owkin) <i>What deep learning in histology can bring to clinical trials design</i>
10h00-10h30	Pause café
	<b>Session invitée et contribué 3 : IA et éthique</b>
10h30-10h50	<b>Jean-Michel Loubes</b> (invite, Université Toulouse 3 et Artificial and Natural Intelligence Toulouse Institute) <i>Bias in data for Machine Learning Algorithms</i>
10h50-11h10	<b>Océane Fiant</b> (invite, Université de technologie de Compiègne, laboratoire Connaissance, Organisation et Systèmes techniques) <i>Explainability of artificial intelligence in medicine: why contextualization matters</i>
11h10-11h30	<b>Nicolas Bertouk</b> (invite, EPFL's Laboratory for Topology and Neuroscience) <i>The field of Explainable AI: creating machines to explain machines?</i>
11h30-11h50	<b>Philippe Bizouarn</b> <i>Le métier du soin virtualisé à l'heure de l'IA ?</i>
11h50-12h10	<b>Béatrice Devergne</b> <i>L'Intelligence artificielle pour réconcilier santé personnalisée et santé publique ?</i>
12h10-14h00	Pause déjeuner
14h00-17h00	<b>Atelier/Formation « IA et R »</b> <b>Tidymodels workshop</b> Hannah Frick <a href="https://education.rstudio.com/trainers/people/frick+hannah/">https://education.rstudio.com/trainers/people/frick+hannah/</a>